

蔬菜育种的组学路线图

主讲人：黄三文 研究员

中国农业科学院深圳农业基因组研究所

地点：新实验大楼2楼会议室

时间：2018年7月2日 上午 9:30

黄三文研究员，博士生导师。2005年毕业于荷兰瓦赫宁根大学。主要致力于利用组学大数据开拓植物生物学前沿并推动作物育种变革。担任国际黄瓜基因组计划的首席科学家和国际茄科基因组研究联盟的共同主席，是国际蔬菜基因组研究领域的奠基人之一。共发表学术论文100余篇，其中在 *Cell*, *Nature*, *Science*, *Nature Genetics* 上发表论文8篇，在植物基因组学和园艺学领域具有广泛的国际影响。担任国家“973”项目首席科学家，获得国家杰出青年科学基金资助，入选“万人计划”。获得“周光召基金会”基础科学奖。



O2N-seq: de novo screen low frequency mutations

主讲人：阮珏 研究员

中国农业科学院深圳农业基因组研究所

地点：新实验大楼2楼会议室

时间：2018年7月2日 上午 10:30

阮珏博士，中国农科院深圳农业基因组研究所研究员。针对序列组装、序列比对和体细胞变异检测等基因组学基础问题，进行了系统的方法学研究。1) 率先解决了二代短序列在组装大基因组中的算法难题；2) 开发了计算效率极高的三代长序列组装算法；3) 开创了极低频突变测序检测中的首个DNA线性扩增方法。共发表SCI论文16篇。其中在*Nature*, *Nature Methods*, *Nature Genetics*, *Genome Research*, *PNAS*, *Nature Communications*等期刊以一作或通讯作者（含并列）发表14篇学术论文，累计他引1491次。

